

# Standard Primer GATC

Name	Sequence	Length	Tm [°C]	GC [%]
1492r	TACGGYTACCTTGTTACGACTT	22	57,5	43,2
16S-1392r	ACGGGCGGTGTGTRC	15	51	70
16S-27f	AGAGTTTGATCMTGGCTCAG	20	56,3	47,5
35S-A	AAGGGTCTTGCGAAGGATAG	20	57,3	50
35S-B	AGTGGAAAAGGAAGGTGGCT	20	57,3	50
3-Gal4	GAACCTGCGGGGTTTTTC	18	53,7	50
BAC1	GCTCGTATGTTGTGTGGAATTG	22	58,4	45,5
BAC2	CCCAGTCACGACGTTGTAAAAC	22	60,3	50
BGH-Reverse	TAGAAGGCACAGTCGAGG	18	56	55,6
CMV-F	CGCAAATGGGCGGTAGGCGTG	21	65,7	66,7
EBV-RP	GTGGTTTGTCCAAACTCATC	20	55,3	45
EGF1	CCAAGCTATTTAGGTGACAC	20	45,3	45
EGF2	GGGGATGTGCTGCAAGG	17	57,6	64,7
GFPN1-5	GAGCTCAAGCTTCGAATTC	19	54,5	47,4
GLprimer1	TGTATCTTATGGTACTGTAAC TG	23	55,3	34,8
KAN2-FP	ACCTACAACAAAGCTCTCATCAACC	25	61,3	44
KAN2-RP	GCAATGTAACATCAGAGATTTTGAG	25	58,1	36
KS	TCGAGGTCGACGGTATC	17	55,2	58,5
LPP1	ATACGACTCACTATAGGGAGAC	22	58,4	45,5
LPP2	ACAAATTGGACTAATCGATGGC	22	56,5	40,9
M13-FP	TGTA AACGACGGCCAGT	18	53,7	50
M13-RP	CAGGAAACAGCTATGACC	18	53,7	50
pACT2-FP	GATGATGAAGATACCCAC	19	54,5	47,4
pACT2-RP	CAGTTGAAGTGAAC TTGC	18	51,4	44,4
pBacPAC-RP	GTCTGTAAATCAACAACGC	19	52,4	42,1
pBAD-FP	ATGCCATAGCATTTTTATCC	20	51,1	35
pBakPAC-FP	TAAAATGATAACCATCTCGC	20	51,1	35
pBR1	CGAAAAGTGCCACCTGAC	18	56	55,6
pBR2	GGAGCCACTATCGACTAC	18	56	55,6
pBR3	TCCCCATCGGTGATGTC	17	55,2	58,8
PBR4	CTCGGCACCGTCACC	15	52	73,3
pc3.1GFP-Topo-RP	CCCATTAACATCACC	15	44	46,7
pcDNA1.1-RP	CTCTGTAGGTAGTTTGTCC	19	54,5	47,4
pcDNA1.1-RP_1	TAGAATCAGTAGTTTAAACAC	20	49,1	30
pcDNA3.1-FP	CTCTGGCTAACTAGAGAAC	19	54,5	47,4
pcDNA3.1-RP_1	CAAACAACAGATGGCTGGC	19	56,7	52,6
PCR1	CGGGCCTCTTCGCTATT	17	55,2	58,8
PCR1minus1	GGGCCTCTTCGCTATT	16	51,7	56,3
PCR2	TTAGCTCACTCATTAGG	17	47,9	41,2
pDONOR-FP	TAACGCTAGCATGGATCTC	19	54,5	47,4
pDONOR-RP	GCAATGTAACATCAGAGAT	19	50,2	36,8

# Standard Primer GATC

Name	Sequence	Length	Tm [°C]	GC [%]
pEGFP_C2-FP	GATCACATGGTCCTGCTG	18	56	55,6
pEGFP_C2-RP	TTTAAAGCAAGTAAACCTC	20	49,1	30
pEGFP_N	CCGTCCAGCTCGACCAG	17	60	70,6
pEGFP-FP	TTTAGTGAACCGTCAGATC	19	52,4	42,1
pEGFP-RP	AACAGCTCCTCGCCCTTG	18	58,2	61,1
pESP-RP	TCCAAAAGAAGTCGAGTGG	19	54,5	47,4
pET-24a	GGGTTATGCTAGTTATTGCTCAG	23	58,9	43,5
pET30er-FP	TCATCATTCTTCTGGTCTG	19	52,4	42,1
pET36b-FP	GCTAAATTCGAACGCCAG	18	53,7	50
pETBlue-RP	AATAGCTTTAATGCGGTAG	19	50,2	36,8
pET-RP*	CTAGTTATTGCTCAGCGG	18	53,7	50
pGBT9-FP	AGTGCGACATCATCATCG	18	53,7	50
pGBT9-RP	CGTTTTAAAACCTAAGAGTCAC	22	54,7	36,4
pGEX-3	GGAGCTGCATGTGTCAGAG	19	58,8	57,9
pGEX3-RP	TCAAGAATTATACACTCCG	19	50,2	36,8
pGEX-5	CTGGCAAGCCACGTTTGG	18	58,2	61,1
pGEX5-FP	AACGTATTGAAGCTATCCC	19	52,4	42,1
pGFP-FP	GAGTTTGTAAACAGCTGCTG	19	54,5	47,4
pGL2	TCTTTATGTTTTTGGCGTC	19	50,2	36,8
pGL3-1	GAGCTGACTGGGTTGAAG	18	56	55,6
pGL3-RV3	CTAGCAAATAGGCTGTCC	19	54,5	47,4
pIRES-RP	TATAGACAAACGCACACCG	19	54,5	47,4
pJet1-FP	ACTACTCGATGAGTTTTTCGG	20	55,3	45
pJet1-RP	TGAGGTGGTTAGCATAGTTC	20	55,3	45
pMalE	TCAGACTGTTCGATGAAGC	18	53,7	50
pMT-FP	CATCTCAGTGCAACTAAAG	19	52,4	42,1
PolyA-B	AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	24	43,4	2,8
PolyC-D	CCCCCCCCCCCCD	13	50,7	94,9
PolyT-V	TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	22	41	3
pQE-FP	CGGATAACAATTTACACAG	20	53,2	40
pQE-RP	GTTCTGAGGTCATTACTGG	19	54,5	47,4
pQE-RP-50	CTAGCTTGGATTCTCACC	18	53,7	50
pREP-FP	GCTCGATACAATAAACGCC	19	54,5	47,4
pRH-FP	CTGTCTCTATACTCCCCTATAG	22	58,4	45,5
pRH-RP	CAAAATTC AATAGTTACTATCGC	23	53,5	30,4
pRSET-RP	ATGCTAGTTATTGCTCAGC	19	52,4	42,1
pRSET-RPnew	GGGTTATGCTAGTTATTGC	19	52,4	42,1
pTal-FP	CGGGAGGTA CTGGAGCG	18	60,5	66,7
pTeSp-1	CCTCCATAGAAGACACC	17	52,8	52,9
pTeSp-2	GCCCTGCCACTCATCG	16	56,9	68,8

# Standard Primer GATC

Name	Sequence	Length	Tm [°C]	GC [%]
pTI2-1-1	GGCAAATATTCTGAAATGAGC	21	54	38,1
pTI2-1-2	GCGTTTCACTTCTGAGTTCCG	20	57,3	50
pTrcHis-FP	GACCGGAATTATCGATTAAC	20	53,2	40
pTrcHis-RP	CTGATTTAATCTGTATCAGG	20	51,1	35
pTYB-FP	GGAAGACGATTATTATGGG	19	52,4	42,1
pUC-F	GCCAGTGAATTTCGAGCTCGG	20	61,4	60
pUC-R	TGCCTGCAGGTGCGACTCTAG	20	61,4	60
pVL1	GGGTTTAAACATTACGGATTTCC	21	54	38,1
pVL2	GACGCACAACTAATATCAC	20	53,2	40
pVP22-FP	CGCTTCTCGCCCCAGAC	17	60	70,6
RPC	ACAGCTATGACCATGATTACG	21	55,9	42,9
SK	CGCTCTAGAACTAGTGGATC	20	57,3	50
SP6	ATTTAGGTGACACTATAGAA	20	49,1	30
T3	ATTAACCCTCACTAAAGGGA	20	53,2	40
T7	TAATACGACTCACTATAGGG	20	53,2	40
T7-981079	TAATACGACTCACTATAG	18	46,9	33,3
T7minus1	AATACGACTCACTATAGGG	19	52,4	42,1
TET-1 FP-1	GGGTGCGCATGATCCTCTAGAGT	23	64,2	56,5
TET-1 RP-1	TAAATTGCACTGAAATCTAGAAATA	25	53,1	24
Topo-1	TCGGATCCACTAGTAACG	18	53,7	50
Topo-2	GTGTGATGGATATCTGC	17	50,4	47,1
Topo-2N	AGATGCATGCTCGAGCGG	18	58,2	61,1
TriplEx5LD	GAAGCGCGCCATTGTGTTGG	20	61,4	60
UP-2	CGTTGTAACGACGGCC	18	56	55,6
UP-40	GTTTTCCCAGTCACGAC	17	52,8	52,9

\* pET-RP is equivalent to T7 Terminator (slightly shortened)